

Figur 1A

1 GTCTAAGAACCTTAAGGAGAAAGAGATTAAGAGGCAGACATTGCTTGAGCTTGTTGATTA  
61 TGTTGCATCAGTTGGTTTAAAGTTTAACGATGTTTCGATGCAAGAGTTAACGAAGATGGT  
121 AGCGGTTAATCTGTTTAGAACTTTTCCTTCTGCGAATCACGAGAGTAAATTCCTGAAAT  
181 ACATGATATGGATGATGAAGAACCTTCTTTGGAGCCAGCTTGGCCTCATGTTCAAGTTGT  
241 GTATGAGATTCTTCTCAGATTTCGTGGCTTCTCCCATGACTGATGCAAAGCTTGCCAAGAG  
301 ATATATTGACCATTCTTTTGTCTTGAAGCTCTTAGACTTGTTTGATTCTGAAGATCAAAG  
361 AGAGAGGGAATATCTAAAACTATTCTGCATCGGGTGTACGGGAAGTTCATGGTGCATCG  
421 ACCTTACATCAGAAAGGCGATAACAATATCTTCTACAGATTCATATCCGAGACTGAAAA  
481 GCATAATGGCATTGCGGAGTTGCTAGAGATTCTTGGAAGTATAATTAATGGTTTTGCTTT  
541 GCCTTTAAAGAAGAGCACAAAGCTCTTCCTTTTGCAGCCTTGATTCCCTCTCCACAAGCC  
601 TAAATGTTTCATCAGTCTATCACCAACAGCTTTCGTATTGCATTGTTTCAGTTTGTAGAAAA  
661 GGACTTCAAGCTCGCTGATACCGTTATTAGAGGTCTTTTAAAAATATTGGCCTGTGACTAA  
721 CAGCTCAAAGGAAGTTATGTTTCTTGAGAGAGTTAGAAGAAGTCTTGGAAGCAACTCAAGC  
781 CGCTGAGTTTCAACGTTGTATGGTTCCATTATCCCGACAAATTGCTCGATGCCTCAACAG  
841 TTCACATTTCCAGGTTGAGTCTTTGACTATCATCACAACTTCATATCTATCTCTCTTGA  
901 TAAAGTCTTGACCTATATATGAAGTTGTACTTTTTGTTTGTGTCAGGTTGCTGAAAAGAC  
961 TTGTTTCTATGGAACAACGATCACATAAGAAACCTGATCACTCAGAACCATAAAGTGATA  
1021 ATGCCTATAGTCTTCCCAGCTCTTGAGAGAAACACGCGTGGACATTGGAACCAAGCAGTT  
1081 CAAAGTCTGACTATAAACGTGAGGAAAGTATTATGCGAGATTGACCAAGTTCTTTTCGAC  
1141 GAGTGTTTAGCCAAATTCCAAGTAGAAGAAGTGAATAAAACAGAGGTTAAAGCGAAACGG  
1201 GAAAGGACATGGCAACGGTTAGAAGATTTAGCTACTTCAAAGACCGTTGTAACCAACGAG  
1261 GCAGTACTGGTTCCAAGATTTGTGTCCTCAGTCAATCTTACTACAAGCAGCTCTGAGTCC  
1321 ACAGGGTCGTAGTAGGCTCTCGTAGGTTACTATGTACTTGTAACAAATATTTGTGGTCAC  
1381 TATAGAAATGGTTCTTGAGAGACGACTGTATAATTATTTTTTTAAATTATAATCTTTTGG  
1441 GTCAAATTGAGAATATTTGATATTATTTTACTGAATTATAATAAACGCCGTAAAACTCT  
1501 CGTTAGTTAACGGCTGACTCTGAAGTGAAAACCTGAAAAGTCGAAGGGTCTCTTTATATTT  
1561 TCAGAATCAAAATCTGAAATTTATCTCTCGGTCGATCCAGTCTTCGTGAGTGACTTCGAC  
1621 GACGACGACGAGTCACACTACTCTTGAGCTTCTCATACTTCGTAAGTTCACTCTCCTCTT  
1681 CTCTAAATTGACAACTTTTTCTTCGTTTTCTGCTATTATTGACGACGAGACTTGATTTT

## Figur 1B

1741 GTTTTGAAATGAAATGGTTCAAGTAGCTGACTTCGACTATGTTCTTTTGGGTTTTTGTCA  
1801 TTGAATCTTACTTGTCTGATTGGTCGATGTTTAATCAATTCAACACTTAAAGATTCAAT  
1861 TTTTGGATTGACACTTGCACATTTTTATTAGACCCAGGTTGATTGGGAAATAATGGAT  
M D 2  
1921 GAATCTCTGGAGCATCAAACACATGGTAAGTAAATTTTCATAGATTTAATCTCT  
E S L E H Q T Q T H D 13  
1981 CTGAATACATATATATGACTTCAATATGTTTGATTGGAGTTTTTTTTGTTGTCCCATATTC  
2041 AATTGGATGCTTTGTTAAAGGATAAATGTCTATCAAATTATGTTGACTGCGTTATTCTTT  
2101 CTAAATCATATTGTGAATCTTGAACAAAGCATGTATACAACAAATTTGTTAGACTTAAT  
2161 AACTCCTTTTCTGTTTGTTAAGAATTGAGAATGACTATTGGGGTTGACTAATGCATCTTT  
2221 TGTGGCTCCAGACCAAGAGAGCGAAATAGTTACTGAAGGAAGTGCCGTTGTGCATAGTGA  
Q E S E I V T E G S A V V H S E 29  
2281 GCCATCTCAAGAGGGTAATGTTCTCTCTAAAGTTGATAGTGAAGCTGAGGTCTTGGATGA  
P S Q E G N V P P K V D S E A E V L D E 49  
2341 GAAAGTCAGTAAGCAGATTATAAAGGAAGGTCACGTTCCAAACCATCCAAGTACTCTAC  
K V S K Q I I K E G H G S K P S K Y S T 69  
2401 ATGCTTTTGTAAAGTACCCTTTAGCTTTCTGTTGATTGGATGTTGATTTTTCGATTGCACT  
C F L 72  
2461 TGTTGGCCTATTGCTACTGTTTATTTGAATCTTTCTATCTGACCAATTTTCATATTGGCCA  
2521 TAGTGCACTACAGGGCATGGACCAAAAACCTCGCAGCACAAATTTGAGGATACATGGCATG  
H Y R A W T K N S Q H K F E D T W H E 91  
2581 AGCAGCAACCTATTGAATTGGTTCTTGGAAAAGGTATGTGGCTGTGCAATATGTACTCTA  
Q Q P I E L V L G K E 102  
2641 CACCTCCATTTTCGTTAGATGAATCGTCATTGGTAAATTTGATGAGTTAGCTTGTGTATTA  
2701 TATGAACCCAATGAGATGGATATTTGGGAGGAAAAAAGATTGAGTTTTGTATTTTTTTTG  
2761 CTTCAATGCTGATTAGCCCATTTTAACGTCCTATACAATTTTTTTTATAAAAAAGATTG  
2821 TGCACTAAGAGTGAAATGTTGTCTGTGAGACAGAGAAAAAAGAACTAGCCGGTTTAGCCA  
K K E L A G L A I'111  
2881 TCGGTGTTGCTAGCATGAAGTCTGGTGAACGTGCGCTTGTGCATGTTGGCTGGGAATTAG  
G V A S M K S G E R A L V H V G W E L A 131  
2941 CTTATGGGAAAGAAGGAACTTTTCTTTTCCCAATGTTCCACCTATGGCAGACTTGTTAT  
Y G K E G N F S F P N V P P M A D L L Y 151  
3001 ATGAGGTGGAAGTTATTGGGTTTGATGAAACAAAGGAGGTAAGTTATTTCTATACCATC  
E V E V I G F D E T K E 163

## Figur 1C

3061 ATCTTGTTTCCTTACCAAGACGACTCCACATCCAAGCTTTATCCCAACCTCCTTGCTTAC  
3121 CTCTCTGACTTAGATGATGTATTGAACAGGGAAAAGCTCGCAGTGATATGACTGTAGAGG  
G K A R S D M T V E E 174  
3181 AAAGGATTGGTGCAGCAGACAGAAGAAAAATGGATGGGAATTCTCTTTTTAAGGAGGAGA  
R I G A A D R R K M D G N S L F K E E K 194  
3241 AACTGGAGGAAGCCATGCAACAGTATGAAATGGTTATGCATCTCTCTATCTCTATCTC  
L E E A M Q Q Y E M 204  
3301 TCTTTCCAACAATTACGGTCAAAGTTTAGGTTTTAGGCATACTTAGTGAGTCTGCTCGA  
3361 GGCTCTTGTGTCTTCTTTTCGGCTTTTGATTAGTCATGGTTTTGCTGTTTCAGGCCATAGC  
A I Y 207  
3421 ATACATGGGGGACGATTTTATGTTTCAGCTGTATGGGAAGTACCAGGATATGGCTTTAGC  
Y M G D D F M F Q L Y G K Y Q D M A L A 227  
3481 AGTTAAAAACCCATGCCATCTTAACATAGCAGCTTGCCTCATCAAACATAAAGGATACGA  
V K N P C H L N I A A C L I K L K R Y D 247  
3541 TGAAGCAATTGGTCACTGCAACATTGTAAGACTCATCAAACCATTCAATTGAAGAAAATC  
E A I G H C N I 255  
3601 ATTAAAGTTCATACTCGGTTTCTCGAAATCTAATCAAACCTCAAACCTTATCAGGTGTTG  
V L 257  
3661 ACAGAAGAAGAGAAAAACCCAAAAGCACTGTTTCAGAAGAGGGAAAAGCAAAGGCAGAGCTA  
T E E E K N P K A L F R R G K A K A E L 277  
3721 GGACAGATGGACTCAGCACGTGATGATTTCCGAAAGGCACAAAAGTATGCTCCTGACGAC  
G Q M D S A R D D F R K A Q K Y A P D D 297  
3781 AAGGCGATTAGAAGAGAGCTACGAGCACTTGCAGAGCAAGAGAAAGCCTTGTACCAAAAG  
K A I R R E L R A L A E Q E K A L Y Q K 317  
3841 CAGAAAGAAATGTACAAAGGAATATTCAAAGGGAAAGATGAAGGTGGTGCTAAGTCAAAG  
Q K E M Y K G I F K G K D E G G A K S K 337  
3901 AGCCTTTTTTGGTTGATAGTGTTATGGCAATGGTTTGTTCCTTTTCTCCCGTATCTTT  
S L F W L I V L W Q W F V S L F S R I F 357  
3961 CGACGCCACAGAGTTAAAGCAGATTAATGTATGAAGAAGGGTTACAATTA  
R R H R V K A D \* 365  
351 SLFSRIFRRH RVKAD

FIGUR 2

TTP 1 MAEVEEEQQLQNSSVDQGSTDEIIAEGASVVRGELPQDDAGPPKVDSEVE 50  
TWD 1 ...MDESLEHQTQTHDQES..EIVTEGSAVVHSEPSQEGNVPPKVDSEAE 45  
TTP 51 VLHEKVTKQIVKEGHGQKPSKYATCFVHYRAWAESTQHKFEDTWREOQPL 100  
TWD 46 VLDEKVSQIIEKEGHGSKPSKYSTCFLHYRAWTKNSQHKFEDTWHEQOPI 95  
TTP 101 ELVIGKERKEMTGLAIGVNSMKSGERALFHVGVWELAYGKEGNFSFPNVPP 150  
TWD 96 ELVLGKEKKELAGLAIGVASMKSGERALVHVGVWELAYGKEGNFSFPNVPP 145  
TTP 151 TADVLYEVELIGFDETGEKGARGDMTVEERIGTADRRKMDGNALFKEEKL 200  
TWD 146 MADLLYEVEVIGFDETKEGKARSMTVEERIGAADRRKMDGNSLFEKKL 195  
TTP 201 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLFQKFRDMALAVKNPCHLNMAACLLKLQR 250  
TWD 196 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLYGKYQDMALRVKNPCHLNIAACLIKLR 245  
TTP 251 YDEAIAQCSIVLAEENNVKALFRRGKARSILGOTDAAREDFLKARKLAP 300  
TWD 246 YDEAIGHCNIVLTEEEKNPALFRRGKAKAELGOMDSARDDFRKAQKYAP 295  
TTP 301 QDKAITREINLIAEHEKAVY..... 320  
TWD 296 DDKAIRRELRLALAEQEKALYQKQKEMYKGIFKGKDEGGAKSLSFLWLIVL 345

FIGUR 3

ZmTWD 1 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLFQKRYRDMALAVKNPCHLNMAACLIKLR 50  
TWD 196 EEAMQOYEMAIAYMGDDFMFQLYGKYQDMALRVKNPCHLNIAACLIKLR 245  
ZmTWD 51 FDEAIAQCSIVLTEDESNVKALFRRGKAKSELGOTESAREDFLKAKKYS 100  
TWD 246 YDEAIGHCNIVLTEEEKNPALFRRGKAKAELGOMDSARDDFRKAQKYAP 295  
ZmTWD 101 EXKEIIRELRLALAEQXKALYQKQKELYKGLFGPSPE..AKPKKAKYLTVF 148  
TWD 296 DDKAIRRELRLALAEQEKALYQKQKEMYKGIFKGKDEGGAKSLSFLWLIVL 345  
ZmTWD 149 WQWLVSFILYLAGMFKRKNE 168  
TWD 346 WQWFVSLFSRIFRRHRVKAD 365